

ارزیابی کارایی ژن‌های مقاومت به بیماری سپتوریوز برگی (*Mycosphaerella graminicola*) ارقام افتراقی گندم نان نسبت به جدایه‌های بومی استان ایلام و خوزستان

فاطمه ذاکر صالحی^۱، زهرا طهماسبی^{۱*}، دکتر آرشد فاضلی^۱، محمود طیب غفاری^۲، خشنود نورالهی^۳

۱- گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه ایلام

۲- مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی صفی آباد دزفول. بخش تحقیقات علوم زراعی و باغی

۳- گروه گیاهپزشکی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه ایلام

* ایمیل نویسنده مسئول: z.tahmasebi@ilam.ac.ir

تاریخ دریافت: ۱۴۰۲/۰۹/۰۳ تاریخ پذیرش: ۱۴۰۲/۱۰/۰۹

چکیده

بیماری سپتوریوز برگی گندم (*Mycosphaerella graminicola*) یکی از مخرب‌ترین بیماری‌های گندم در دنیا به شمار می‌رود. افزایش تعداد تک سرشته‌های مقاومت به بیماری سپتوریوز برگی به اولویتی مهم در برنامه‌های ملی و بین‌المللی به نژادی گندم تبدیل شده است. در این بررسی ۳۱ ارقام افتراقی حامل ژن‌های مقاومت به سپتوریوز برگی گندم (دارای ژن مقاومت Stb) و حساس (بدون ژن مقاومت Stb) به سپتوریوز برگی گندم بوسیله ۴ جدایه جمع‌آوری شده از مناطق مختلف آلوده استان خوزستان و ایلام در شرایط گلخانه‌ای و در مرحله گیاهچه مورد ارزیابی قرار گرفتند. دو زمان برای اندازه‌گیری و قرائت بیماری در نظر گرفته شد که یکی ۲۱ روز و دیگری ۲۸ روز پس از اسپورپاشی بودند. در این دو تاریخ درصد بیماری لاین‌ها در واکنش به ایزوله‌ها بررسی و یادداشت گردید. اندازه‌گیری مقدار بیماری روی برگ‌های اول گیاه و به صورت اندازه‌گیری درصد سطح پیکنیدیومی برگ بوسیله چشم انجام شد. نتایج نشان داد که بین جدایه‌های قارچ و نیز اثر متقابل بین ارقام و جدایه‌ها از نظر درصد بیماری اختلاف معنی‌داری وجود دارد. از نتایج به دست آمده در تحقیق حاضر می‌توان نتیجه گرفت که رقم Tadinia حساس‌ترین رقم و ارقام K/MKM^۴ و K/MKM^۷ مقاوم‌ترین رقم‌ها بین ارقام گندم افتراقی مورد بررسی بودند.

کلمات کلیدی: "به‌نژادی گیاهان"، "سطح پیکنیدیومی"، "گلخانه".

۱- مقدمه

می‌باشد که چرخه جنسی آن در طول فصل زراعی، با توجه به شرایط محیطی مساعد، تکرار می‌شود (الهام محمودی و همکاران، ۱۳۹۴) و از سال ۱۸۹۴ مشاهده و گزارش گردیده است، هرچند ارتباط بین بیماری سپتوریوز برگی و این قارچ پس از حدود ۸۰ سال روشن گردید (Sanderson ۱۹۷۲). این بیماری که یکی از مخرب‌ترین بیماری‌های گندم در دنیا به شمار می‌رود، خسارت جهانی آن در سال‌های طغیان بالغ بر ۳۰ تا ۵۳ درصد است (محمودی و همکاران، ۱۳۹۴). نتیجه به‌نژادی برای مقاومت به سپتوریوز برگی به عنوان یک راهبرد سازگار با محیط زیست و همچنین دارای برتری اقتصادی برای کشاورزان (با توجه به هزینه مصرف قارچ کش)، در دو دهه اخیر اهمیت چشمگیری یافته است (Jorgensen ۲۰۰۰; Verreet et al. ۲۰۰۸). اولین مطالعه ژنتیک مقاومت گندم به بیماری سپتوریوز برگی در سال ۱۹۵۷ انجام شد (Narvaez and Caldwell, ۱۹۵۷) و متعاقب

گندم (*Triticum aestivum* L) غذای اصلی مردم بسیاری از کشورهاست، به طوری که بیش از ۲۰ درصد کالری مورد نیاز جمعیت جهان را تامین می‌کند و به مقدار زیاد و در مساحت وسیعی کشت می‌شود. گندم نان بیشترین تجارت را در مقایسه با سایر محصولات دارد. (PAGESSE et al., ۲۰۰۱). هدف اصلاحی نهایی در هر برنامه اصلاحی افزایش عملکرد می‌باشد. که این برنامه با حفظ گیاه در مقابل تنش‌های غیر زیستی (گرما، سرما، خشکی و شوری) و زیستی (حشرات، باکتری‌ها، ویروس‌ها و قارچ‌ها)، که باعث کاهش ۲۵٪ عملکرد می‌شوند تحقق می‌یابد (Gill et al., ۲۰۰۴). بیماری سپتوریوز برگی گندم نخستین بار در سال ۱۸۴۲ در اروپا گزارش گردید (Desmazieres ۱۸۴۲; Sprague ۱۹۳۸). عامل این بیماری یک قارچ آسکومیست هتروتال دو قطبی *Mycosphaerella graminicola* (Fuekel) J.Schrot

چهاردهم گندم ها در گلخانه در دمای ۲۲ تا ۲۶ درجه و رطوبت حدود ۸۰٪ نگهداری شدند. در این مدت آبیاری هر دو روز یکبار انجام شد و درکف سینیها بین ۲ تا ۴ سانتی متر آب ریخته می شد. سه ایزوله با شماره های ۴، ۱۳ و ۱۶، از چند مزرعه از شهر سردشت از توابع دزفول و شهرستان شوشتر جمع آوری گردید و یک ایزوله از ایلام (۵) بود. نام و موقعیت جغرافیایی ایزوله ها در جدول ۲ آورده شده است. جدا سازی سویه های قارچ به روش تک پیکنید (Kema and Annon ۱۹۹۱) از برگ های آلوده انجام و هر یک جدایه در یک پتری مجزای حاوی محیط کشت PDA نگهداری شدند. اسپور هر جدایه سپس در محیط کشت مایع به نسبت ۱:۳ یس و گلوکز در دمای ۱۵ درجه سانتی گراد و ۱۸۰ دور در دقیقه تکثیر شده و با غلظت 10^7 (۱۰۰۰۰۰۰۰) اسپور در میلی لیتر روی ارقام افتراقی پاشیده شد. به هدف ایجاد شرایط مطلوب برای نفوذ قارچ در بافت گیاهی به مدت ۴۸ ساعت شرایط رطوبت حد اکثر با استفاده از پوشش پلاستیکی فراهم گردید. ۱۰ روز پس از تلقیح برگ اول حفظ و برگ های بالائی حذف گردید. اولین علائم بیماری در رقم داراب ۲ که شاهد حساس بود، دیده شد. علائم ابتدا به صورت لکه های زرد رنگ بر روی برگ ها ظاهر گردید که این لکه ها بسته به میزان حساسیت رقم به تدریج گسترش یافتند و بافت برگ ها در محل لکه ها خشک و قهوه ای شدند. دو زمان برای اندازه گیری و قرائت بیماری در نظر گرفته شد که یکی ۲۱ روز پس از اسپور پاشی و دیگری ۲۸ روز پس از اسپور پاشی بودند. در این دو تاریخ درصد بیماری لاین-ها در واکنش به ایزوله ها بررسی و یادداشت گردید. اندازه گیری مقدار بیماری روی برگ های اول گیاه و به صورت اندازه گیری درصد سطح پیکنیدیومی برگ بوسیله چشم انجام شد. محاسبات آماری شامل تجزیه واریانس و مقایسه میانگین داده ها با استفاده از آزمون LSD و توسط نرم افزار SAS ۹.۲ انجام شد. لازم به ذکر قبل از انجام تجزیه واریانس مفروضات تجزیه واریانس توسط برنامه MINITAB ۱۶ مورد آزمون قرار گرفت و ضمن حذف داده های پرت از تبدیل جذری جهت نرمال سازی داده استفاده گردید. جهت ترسیم نمودارها نیز به کمک نرم افزار EXCEL ۲۰۱۰ انجام گردید

آن چهار ژن مقاومت Stb^۱, Stb^۲, Stb^۳, Stb^۴ در گندم نان شناسائی و معرفی گردید. توسعه روش های تهیه نقشه های پیوستگی، تجزیه کمی منجر به تعیین محل ژن-های فوق الذکر و شناسائی نشانگرهای مولکولی پیوسته به آنها گردید. در دهه اخیر ۱۴ تک سرشت جدید شناسائی و جمعاً تعداد آنها در گندم نان به ۱۸ عدد افزایش یافته است که در این میان کشف رابطه ژن با ژن در برهمکنش این قارچ و گندم با شناسائی Stb^۶ همزمان گردید (Brading et al. ۲۰۰۲). مقایسه تعداد ژن های شناسائی شده برای مقاومت به سپتوریوز برگی در مقایسه با ژن گزارش شده برای مقاومت به زنگ زرد زنگ قهوه ای، زنگ سیاه و سفیدک پودری به طور چشمگیری ناچیز به نظر می رسد. بنابراین افزایش تعداد تک سرشت های مقاومت به بیماری سپتوریوز برگی به اولییتی مهم در برنامه های ملی و بین المللی به نژادی گندم تبدیل شده است. بنابراین در این بررسی ارقام افتراقی حامل ژن های مقاومت به سپتوریوز برگی گندم بوسیله ۴ جدایه جمع-آوری شده از مناطق مختلف آلوده استان خوزستان و ایلام در شرایط گلخانه ای و در مرحله گیاهچه مورد ارزیابی قرار گرفتند.

۲- روش انجام تحقیق

در این تحقیق ۳۱ رقم افتراقی گندم حامل ژن های مقاومت به سپتوریوز برگی گندم (دارای ژن مقاومت Stb) و حساس (بدون ژن مقاومت Stb) به بیماری سپتوریوز برگی که در مرکز تحقیقات صفی آباد دزفول موجود بود (جدول ۱)، بوسیله ۴ جدایه جمع آوری شده از مناطق مختلف آلوده استان خوزستان و ایلام آلوده و از لحاظ مقاومت به بیماری مورد ارزیابی قرار گرفتند. در بین ارقام مورد بررسی سه رقم به نام های Taichung^{۲۹}، Obelisk و Darab^۲ به عنوان شاهد حساس در نظر گرفته شدند. آزمایش به صورت طرح فاکتوریل در قالب بلوک های کامل تصادفی و در سه تکرار اجرا شد. که عامل ها شامل جدایه های قارچ و ارقام افتراقی گندم بودند. این تحقیق در مرکز تحقیقات کشاورزی دزفول به انجام رسید. بذرهای این ۳۱ رقم در گلدان های کوچک که حاوی خاک سند پیت بود، کشت شدند. مراقبت های لازم از جهت آبیاری، نور و رطوبت تا رشد گیاهان و رسیدن آنها به مرحله دو برگی و سپس آلوده سازی انجام گرفت. تا روز

جدول ۱- مشخصات ارقام مورد بررسی در این تحقیق

ردیف	رقم	ردیف	رقم
۱	Bulgaria	۱۷	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱۲۰
۲	veranopolis	۱۸	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱
۳	Israel ۴,۳	۱۹	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱۳
۴	Tadiana	۲۰	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱۴۹
۵	Cs/synthetic (۶x) ۷D	۲۱	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱۲۶
۶	Shafir	۲۲	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱۲۸
۷	Estanzuela Federal	۲۳	K/M ^۳ -KM ^{۲۰}
۸	Estanzuela Federal	۲۴	K/M ^۳ -KM ^۷
۹	Courtot	۲۵	K/M ^۳ -KM ^{۴۱}
۱۰	TE ۹۱۱۱	۲۶	K/M ^۳ -KM ^{۷۳}
۱۱	Salamouni	۲۷	KK ۴۵۰۰
۱۲	Arina	۲۸	Riband
۱۳	M ^۳ (synthetic)	۲۹	Taichung ۲۹
۱۴	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱۶۶	۳۰	Obelisk
۱۵	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱۲۴	۳۱	Darab ^۲
۱۶	A/B-۰۱۰۱۵,۳HD-۱۳۱		

جدول ۲- مشخصات ایزوله های قارچ عامل سپتوریوز استفاده شده در این تحقیق

نام ایزوله	محل جمع آوری	موقعیت جغرافیایی
۱۶	شهر سردشت از توابع دزفول	N= ۳۲°, ۲۹/۳۴۵ E= ۴۳, ۴۴/۸۲۴
۴	شهر سردشت از توابع دزفول	N= ۳۲, ۲۹/۵۲۲ E= ۴۸, ۴۵/۳۷۱'
۱۳	شهرستان شوشتر	N= ۳۲ E= ۴۸
۵	شهرستان ایلام	

۳- نتایج

در سطح احتمال ۱٪ اختلاف معنی داری وجود دارد. اثر متقابل بین ارقام و جدایه ها نیز در سطح احتمال ۱٪ معنی دار است (جدول ۳).

نتایج حاصل از تجزیه واریانس درصد بیماری جدایه ها بر روی ارقام گندم در دو تاریخ قرائت نشان داد که بین ارقام گندم و همچنین بین جدایه های قارچ از نظر درصد بیماری

جدول ۳- تجزیه واریانس درصد پوشش پیکنیدیومی سطح برگ ۳۱ رقم گندم در ۲ تاریخ قرائت

میانگین مربعات درصد بیماری		درجه آزادی	منابع تغییرات
۲۸ روز پس از اسپور پاشی	۲۱ روز پس از اسپور پاشی	۳۰	رقم
۰/۰۴۸**	۰/۰۱۶**	۳	جدایه (تیمار)
۳/۰۶۷**	۲/۳۲۷**	۹۰	جدایه * رقم
۰/۰۲۳**	۰/۰۱۵**	۲۴۸	خطا
۰/۰۰۱	۰/۰۰۲	-	ضریب تغییرات
۱۶/۹	۲۷/۷۱		

** معنی دار در سطح یک درصد

مقایسه میانگین هر ۴ ایزوله در اولین تاریخ قرائت نشان داد که ایزوله ۱۶ بیشترین بیماری زایی و سه ایزوله دیگر بیماری زایی ایجاد نکردند (۴). مقایسه میانگین ۴ ایزوله در دومین تاریخ با کمی تغییرات نشان داد، که همچنان ایزوله ۱۶ بیشترین بیماری زایی را داشته و ایزوله ۴ با درصد کمی بیماری زایی به عنوان دومین ایزوله بیمارزا در نظر گرفته شد. بیماری زایی ایزوله ۱۳ تقریباً صفر درصد بود که این ایزوله را با ایزوله ۵ در گروه ایزوله های غیر بیماری

زا قرار دادیم (جدول ۴). مقایسه میانگین ارقام در ۲۱ روز پس از اسپور پاشی نشان می دهد که ارقام از نظر میزان پوشش پیکنیدیومی برگ با هم اختلاف معنی دار دارند که این اختلاف آن ها را در گروه های مختلف قرار داده است. بجز ارقام Taichung، Obelisk و Darab^۲ که به عنوان شاهد حساس در نظر گرفته شده بودند، بررسی مقایسه میانگین ها نشان داد، که رقم Tadinia حساس ترین رقم و رقم K/MKM^{۴۱} و K/MKM^{۷۳} مقاوم ترین ارقام از

K/MKM^{۷۳} مقاومترین رقمها بین این ارقام گندم افتراقی هستند. در مرکز بین المللی ذرت و گندم مکزیک، ژرم پلاسما مشتق شده (KK) k^{۴۵۰۰}، یکی از اولین گونه‌ها به عنوان منبعی از مقاومت در برابر Stb در سال ۱۹۷۰ شناسایی شد و در برنامه‌های اصلاحی این مرکز مورد استفاده قرار گرفت. در مطالعه چند نهال و برگ گندم مشخص شد که رقم KK به بسیاری از ایزوله‌های بیماری سپتوریوز مقاوم است اما مستعد مبتلا کردن دیگر ارقام به این بیماری است و مقاومت KK به Stb را میتوان بوسیله ۷ ژن کنترل کرد. (Chartrain et al., ۲۰۰۵). با توجه به مطالب بالا که مقاومت رقم KK را نشان می‌دهد، در تحقیق حاضر این رقم تا حدودی بیمار شده و در رده ارقام نیمه مقاوم در مقابل ایزوله ۱۶، قرار گرفته است. در تحقیقی به منظور معرفی ژن‌های مقاومت، ۲۶ رقم افتراقی گندم، در مرحله‌ی گیاهچه‌ای در گلخانه با ۵ جدایه‌ی خالص سازی شده‌ی این قارچ که در سال‌های ۱۳۹۲ و ۱۳۹۳ از مزارع استان خوزستان جمع آوری شده بودند، مایه زنی شده و واکنش ارقام ۲۱ روز پس از مایه زنی براساس روش کما و همکاران (Kema et al., ۱۹۹۶) به

نظر پوشش پیکنیدیومی سطح برگ و شدت آلودگی بودند (جدول ۵). مقایسه میانگین میزان ابتلا به بیماری ارقام در ۲۸ روز پس از اسپور پاشی نشان می‌دهد که ارقام از نظر میزان پوشش پیکنیدیومی برگ آن‌ها را در گروه‌های مختلف قرار داده است. بجز ارقام Obelisk، Taichung و Darab^۲ که به عنوان شاهد حساس در نظر گرفته شده بودند، بررسی مقایسه میانگین‌ها نشان داد که رقم Tadinia حساس‌ترین رقم و رقم K/MKM^{۴۱} و K/MKM^{۷۳} مقاومترین ارقام از نظر پوشش پیکنیدیومی سطح برگ و شدت آلودگی بودند (جدول ۵). رقم گندم tadinia تنها دارای ژن غالب Stb^۴ برای مقاومت در برابر بیماری سپتوریوز را دارد. این ژن از سال ۱۹۷۵ در کالیفرنیا برای کنترل بیماری، مفید واقع شده است. این ژن‌ها در برنامه‌های اصلاحی می‌تواند به شدت با در دسترس بودن ماکروملکول‌های مرتبط افزایش یابد. توسعه چنین نشانگرهایی توسط انتخاب به کمک ترکیب ژن مطلوب به این ژن در برنامه‌های اصلاحی گندم است. (Adhikari et al., ۲۰۰۴) از نتایج به دست آمده از هر دو جدول در تحقیق حاضر میتوان نتیجه گرفت که رقم Tadinia حساس‌ترین رقم و ارقام K/MKM^{۴۱} و

جدول ۴-مقایسه میانگین درصد پوشش پیکنیدیومی ایزوله‌ها در ۲۱ و ۲۸ روز پس از اسپور پاشی

ایزوله	۲۱ روز پس از اسپور پاشی	۲۸ روز پس از اسپور پاشی
۱۶	+/۱۹۰a	+/۲۴۵a
۴	+/۰۰۰b	+/۰۳۱b
۱۳	+/۰۰۰b	+/۰۰۹c
۵	+/۰۰۰b	+/۰۰۰c

در هر ستون اعداد با حداقل یک حرف مشترک تفاوت معنی دار در سطح احتمال ۵٪ با یکدیگر ندارند.

شود که بروز مقاومت در رقم Flame ناشی از وجود ژن یا ژن‌های مقاومت دیگری غیر از Stb^۶ باشد. تحقیق بالا مشابه تحقیقی است که انجام گرفته است. نتایجی که از تحقیق بالا بدست آمده متفاوت با نتایجی است که در اینجا بدست آمده است. رقم Riband با اینکه دارای دو ژن مقاومت است، ولی در تحقیق حاضر در رده ارقام نیمه حساس قرار گرفته است در حالی که در تحقیقی که در بالا آورده شده به عنوان یک رقم مقاوم شناخته شده است. رقم TE^{۹۱۱۱} نیز دارای یک ژن مقاومت می‌باشد که طبق تحقیقات حاضر نیز در رده ارقام نیمه مقاوم قرار گرفته است ولی در تحقیق بالا مقاوم به بیماری شناخته شده است. رقم M^۳ نیز طبق نتایج تحقیق حاضر نیمه مقاوم است ولی در تحقیق بالا به عنوان مقاوم شناخته شده است.

صورت تخمین درصد سطح نکروز کل برگ و درصد سطح نکروز حاوی پیکنید ارزیابی گردید. نتایج تجزیه‌ی خوشه‌ای واکنش ارقام افتراقی گندم نشان داد که تنها ۱۳ رقم نسبت به جدایه‌ها مقاوم هستند. ارقام M^۳ حامل ژن‌های مقاومت Stb^{۱۶} & Stb^{۱۷} و Arina حامل Stb^{۱۵} & Stb^۶، Riband حامل Stb^{۱۵} و Stb^۶، ۷ و TE^{۹۱۱۱} حامل ژن Stb^{۱۱} به ترتیب نسبت به بیشتر جدایه‌ها از خود مقاومت نشان دادند. بر این اساس ژن‌های Stb^{۱۶}، Stb^{۱۷}، ۱۱، ۱۵ به عنوان ژن‌های مقاومت موثر برای برنامه‌های به‌نژادی گندم با هدف تولید ارقام مقاوم معرفی می‌گردند. کمترین مقاومت موثر مربوط به ژن‌های مقاومت ۱۳، ۱۴، ۶، STB بود و سایر ژن‌ها درجات مختلفی از میزان اثربخشی را در مقابل جدایه‌ها نشان دادند. ارقام Shafir و Flame که دارای ژن مقاومت غیرموثر Stb^۶ می‌باشند، واکنش متفاوتی را در برابر جدایه‌ها نشان دادند و پیش بینی می‌

جدول ۵- مقایسه میانگین درصد پوشش بیکنیدیومی ۳۱ رقم گندم ۲۱ و ۲۸ روز پس از اسپور پاشی

رقم	۲۱ روز پس از اسپور پاشی	۲۸ روز پس از اسپور پاشی
۱	+۰۵۲def	+۰۶۳ghij
۲	+۰۵۸cdefg	+۰۶۵fghij
۳	+۰۶۷abcde	+۰۹۴cdef
۴	+۱۰۵abc	+۰۳۱klm
۵	+۰۱۳ghi	+۰۶۵fghij
۶	+۰۴۵defghi	+۰۵۵hijk
۷	+۰۴۱defghi	+۰۷۱efghi
۸	+۰۲۰efghi	+۰۳۱klm
۹	+۰۵۰defg	+۰۹۰cdefg
۱۰	+۰۶۲bcdef	+۰۹۹cde
۱۱	+۰۵۰defg	+۰۷۰efghij
۱۲	+۰۵۱defg	+۱۰۱cd
۱۳	+۰۳۵defghi	+۰۶۸fghij
۱۴	+۰۴۳defghi	+۰۷۶defghi
۱۵	+۰۵۰defg	+۰۸۵cdefg
۱۶	+۰۴۸defgh	+۰۷۰efghi
۱۷	+۰۲۰efghi	+۰۵۰ijkl
۱۸	+۰۴۲defghi	+۰۸۷cdefg
۱۹	+۰۵۶defg	+۰۸۹cdefg
۲۰	+۰۲۲efghi	+۰۸۰cde
۲۱	+۰۴۵defghi	+۰۶۷fghij
۲۲	+۰۳۱defghi	+۰۴۰jklm
۲۳	+۰۱۹fghi	+۰۲۳lm
۲۴	+۰۰۱hi	+۰۱۷lmn
۲۵	+۰۰۰i	+۰۰۰n
۲۶	+۰۰۰i	+۰۰۰n
۲۷	+۰۴۴defghi	+۰۵۲hijkl
۲۸	+۰۷۵abcd	+۱۱۵c
۲۹	+۱۱۳a	+۱۸۸a
۳۰	+۱۰۶ab	+۱۸۴a
۳۱	+۱۰۷ab	+۱۵۱b

در هر ستون اعداد با حداقل یک حرف مشترک تفاوت معنی دار در سطح احتمال ۵٪ با یکدیگر ندارند.

۴- نتیجه گیری

اختلاف بین ایزوله ها و واکنش ارقام نسبت به ایزوله ها بود که این موضوع می تواند ناشی از وجود الگوی بیماریزایی متفاوت ایزوله ها باشد و یا به دلیل تفاوت ژنتیکی ارقام میزبان این بیماری باشد.

ایزوله ۱۶ مربوط به شهرستان شوشتر می باشد، که بر روی ۳۱ رقم افتراقی در دزفول و در تحقیق پیش رو، بیماریزایی شدیدی داشته است. نتایج این پژوهش، وجود مقاومت اختصاصی در ارقام گندم مورد بررسی و تخصص یافتگی فیزیولوژیکی در ایزوله منطقه شوشتر را نشان داد.

ارزیابی میزان مقاومت ارقام و لاین های گندم نسبت به بیماری سپتوریوز برگی در ایران غالباً با استفاده از مخلوط جدایه های قارچ عامل بیماری و یا در شرایط آلودگی طبیعی انجام گرفته است. این امر نه تنها امکان درک صحیح از میزان پرآزاری و ناپرآزاری جدایه های ایرانی را فراهم نمی کند بلکه امکان استنتاج مناسبی از وجود و یا عدم وجود مقاومت اختصاصی در ارقام و لاین های گندم را بامشکل مواجه می کند. نتایج جداول تجزیه واریانس واکنش درصد پوشش بیکنیدی ارقام نسبت به ایزوله های سپتوریوز برگی گندم در هر دو آزمایش حاکی از وجود

۵- منابع

محمودی، ا.، آق ملایفکایا، ش و نصراله نژاد، س.، ۱۳۹۴. واکنش تعدادی از ژنوتیپ های امیدبخش گندم نان به قارچ عامل لکه برگی سپتوریایی، نشریه پژوهش های تولید گیاهی، شماره ۳، ص ۳۲۹-۳۳۵.

- Adhikari, T.B., et al. ۲۰۰۴. Microsatellite markers linked to the Stb^۲ and Stb^۳ genes for resistance to septoria tritici blotch in wheat, Crop Science, Vol. ۴۴, P. ۱۴۰۳-۱۴۱۱.
- Brading, P.A., et al. ۲۰۰۲. A gene-for-gene relationship between wheat and *Mycosphaerella graminicola*, the *Septoria tritici* blotch pathogen, Phytopathology, Vol. ۹۲, P. ۴۳۹۴-۴۴۰.
- Chartrain, L., et al. (۲۰۰۵). Presence of the Stb^۶ gene for resistance to septoria tritici blotch (*Mycosphaerella graminicola*) in cultivars used in wheatbreeding programmes worldwide. Plant Pathol Vol. ۵۴, P. ۱۳۴-۴۳.
- Desmazieres, J. ۱۸۴۲. Neuvieme notice sur quelques plantes cryptogames, Ann des Sci Nat, Bot Ser, Vol. ۲, P. ۹۱۱۱۸.
- Gill, B.S., et al. ۲۰۰۴. A workshop report on wheat genome sequencing: international genome research on wheat consortium. Genetics, Vol. ۱۶۸, P. ۱۰۸۷-۱۰۹۶.
- Jorgensen, L.N. ۲۰۰۸. Resistance situation with fungicides in cereals, Zemdirbyste Agriculture, Vol. ۹۵, P. ۳۷۳۳۷۸.
- Kema, G., Annone, J. ۱۹۹۱. In vitro production of pycnidia by *Septoria tritici*, European Journal of Plant Pathology, Vol. ۹۷, P. ۶۵۷۲.
- Kema, G.H.J., et al. ۱۹۹۶. Histology of the pathogenesis of *Mycosphaerella graminicola* in wheat, Phytopathology, Vol. ۸۶, P. ۷۷۷۷۸۶.
- Narvaez, I., Caldwell, R. ۱۹۵۷. Inheritance of resistance to leaf blotch of wheat caused by *Septoria tritici*, Phytopathology, Vol. ۴۷, P. ۵۲۹-۵۳۰.
- Pagesse, P. ۲۰۰۱. Wheat: its genetic diversity, history and prospects. In: The world wheat book: A history of wheat breeding. Bonjean, A.P. and W.J. Angus (eds). Lavoisier Publishing, Paris, P. ۱۱۳۱-۱۱۸۴.
- Sanderson, F. ۱۹۷۲. A *Mycosphaerella* species as the ascogenous state of *Septoria tritici* Rob. and Desm, New Zealand Journal of Botany, Vol. ۱۰, P. ۷۰۷-۷۱۰.
- Verreet, J., et al. ۲۰۰۰. Regional monitoring for disease prediction and optimization of plant protection measures: the IPM wheat model, Plant Disease, Vol. ۸۴, P. ۸۱۶۸۲۶.

Performance evaluation of some septoria leaf disease resistance genes differential wheat varieties to Ilam and Khuzestan native isolates

Fatemeh Zaker salehi^۱; Zahra. Tahmasebi^۲; Arash Fazeli^۱; Mahmoud Tabibghaffuri^۳; Khoshnoud Nourollahi^۴

^۱ MSc., Department of Agronomy and plant breeding, Agricultural College, Ilam University, Ilam, Iran.

^۲ Associate Professor, Department of Agronomy and plant breeding, Agricultural College, Ilam University, Ilam, Iran.

^۳ Research Associate, Field and Horticultural Crops Reseach Unit, Agricultural and Natural Resources Research and Education Center of Safi Abad Dezful, Agricultural Research, Education and Extension Organization, Iran.

^۴ Department of plant Protection, Agricultural College, Ilam University, Ilam, Iran.

Abstract

Introduction

Wheat (*Triticum aestivum* L) is the main food of the people of many countries, so that it supplies more than ۲۰٪ of the calories needed by the world's population, and it is cultivated in large quantities and in a large area. Bread wheat has the most trade compared to other crops.

Wheat leaf septoriososis was first reported in Europe in ۱۸۴۲. The cause of this disease is a bipolar heterothallic ascomycete fungus, *Mycosphaerella graminicola* (Fuckel) J. Schrot, whose sexual cycle repeats itself during the cropping season, according to favorable environmental conditions, and since ۱۸۹۴, it has been observed and has been reported, although the relationship between foliar septoria and this fungus was clarified after about ۸۰ years. This disease, which is considered one of the most destructive diseases of wheat in the world, its global damage in flood years is ۳۰-۵۳٪.

The ultimate corrective goal in any corrective program is to increase performance. This program is realized by protecting the plant against non-biotic (heat, cold, drought and salinity) and biotic (insects, bacteria, viruses and fungi) stresses, which cause a ۲۵٪ reduction in yield. Breeding for resistance to foliar septoria as an environmentally friendly strategy and having an economic advantage for farmers (considering the cost of fungicide use) has gained significant importance in the last two decades. The first genetic study of wheat resistance to foliar satori disease was done in ۱۹۵۷ (Narvaez and Caldwell, ۱۹۵۷) and subsequently four resistance genes *Stb*^۱, *Stb*^۲, *Stb*^۳, *Stb*^۴ were identified and introduced in bread wheat. In the last decade, ۱۴ new monotypes have been identified and their total number has increased to ۱۸ in bread wheat, among which the discovery of the gene-to-gene relationship in the interaction between this fungus and wheat coincided with the identification of *Stb*^۶ (Brading et al. ۲۰۰۲). The comparison of the number of genes identified for resistance to foliar Seteria compared to the genes reported for other diseases seems remarkably insignificant. Therefore, increasing the number of monotypes resistant to foliar Seteria disease has become an important priority in national and international wheat breeding programs. Therefore, in this study, differential cultivars carrying genes for resistance to wheat foliar Seteria were evaluated by four isolates collected from different infected areas of Khuzestan and Ilam at the seedling stage.

Methodology

In this research, ۳۱ different varieties of wheat carrying the genes of resistance to foliar septoriososis of wheat (with *Stb* resistance gene) and sensitive (without *Stb* resistance gene) to foliar septoriososis disease, which were available in Safi Abad Dezful Research Center, were collected by ۴ isolates. They were infected from different infected areas of Khuzestan and Ilam province and were evaluated in terms of disease resistance. Among the investigated cultivars, three cultivars named Taichung^{۲۹}, Obelisk and Darab^۲ were considered as sensitive controls. The experiment was carried out as a factorial design in the form of randomized complete blocks and in three replications. The agents included mushroom isolates and differential wheat cultivars. This research was done in Dezful Agricultural Research Center. The seeds of these ۳۱ cultivars were planted in small pots containing sand-peat soil. Necessary care was taken in terms of irrigation, light and humidity until the plants grow and reach the two-leaf stage and then contamination. During this period, watering was done every two days and between ۲ and ۴ cm of water was poured on the bottom of the trays.

Three isolates with numbers ۴، ۱۳ and ۱۶ were collected from several farms in Sardasht city, Dezful and Shushtar counties, and one isolate was from Ilam (۵). The name and geographic location of the isolates are given in Table ۲. Isolation of fungal strains was done by single-pick method (Kema and Annon ۱۹۹۱) from infected leaves and each isolate was kept in a separate Petri dish containing PDA culture medium. Spores of each isolate were then propagated in a liquid culture medium with a ratio of ۱:۳ Ys and glucose at a temperature of ۱۵ degrees Celsius and ۱۸۰ rpm and sprayed with a concentration of ۱۰۷ (۱۰,۰۰۰,۰۰۰) spores per ml on the differential cultivars. In order to create favorable conditions for the penetration of fungi in the plant tissue for ۴۸ hours, maximum humidity conditions were provided using plastic cover. ۱۰ days after inoculation, the first leaf was preserved and the upper leaves were removed. The first symptoms of the disease were seen in the cultivar Darab ۲, which was a sensitive control. The symptoms first appeared in the form of yellow spots on the leaves, which gradually spread depending on the sensitivity of the variety, and the texture of the leaves became dry and brown at the spots. Two times were considered for disease measurement and reading, one was ۲۱ days after sporulation and the other was ۲۸ days after sporulation. On these two dates, the disease percentage of the lines in response to the isolates was checked and recorded. The amount of disease was measured on the first leaves of the plant by measuring the percentage of pycnidium leaf surface by eye.

Statistical calculations including analysis of variance and comparison of mean data were performed using LSD test and by SAS ۹,۲ software. It should be mentioned that before performing the analysis of variance, the assumptions of analysis of variance were tested by MINITAB ۱۶ program and while removing outlier data, radical transformation was used to normalize the data. To draw the graphs, it was done with the help of EXCEL ۲۰۱۰ software.

Conclusion

The evaluation of the resistance level of wheat cultivars and lines to the foliar septoriosi disease in Iran has often been done using a mixture of isolates of the disease-causing fungus or under natural pollution conditions. This is not the only possibility. It does not provide a correct understanding of the level of annoyance and non-intrusiveness of Iranian separatists. Rather, it faces the problem of making an appropriate conclusion about the existence or non-existence of specific resistance in wheat numbers and lines. The results of the variance analysis tables of the response of the percentage of the peaked coverage of the numbers in relation to the wheat leaf septoriosi isolates in both experiments indicate the existence.

Keywords

"Greenhouse; Plant Breeding; Pycnidium Surface.